

عناصر الإجابة و سلم التنقيط

النقطة	الجواب
0.5	التمرين الأول : - ADN الحمض النووي الريبوزي ناقص أوكسجين عبارة عن سلسلة مزدوجة من النيكليوتيدات
0.5	- رسم لنيكليوتيد يظهر مكوناته الثلاثة - تكون سلسلتي ADN متوازية و معكوسة مما يضمن ارتباط القواعد الأزوتية المتكاملة مع بعضها بروابط هيدروجينية 2 بين T و A و 3 بين C و G و بالتالي عدم افتراق السلسلتين ، نرسم لهذه الخاصية ل ADN باستعمال الرقمين 5' و 3'
1	
1	- خلال المرحلة S يظهر في الخيوط الصبغية عيينات التضاعف أو النسخ ، في مستواها تقوم الخلية الأم بمضاعفة ADN فيصبح الخيط الصبغي خلال المرحلة G2 مكونا من خيطين يعطيان الصبغين خلال الانقسام الغير مباشر لنتبع مضاعفة قطعة ADN عند الخلية الأم :
1	ADN الخلية الأم 3' AATCGGCTAGCTAGGCT 5' 5' TTAGCCGATCGATCCGA 3' ADN الصبغيين 3' AATCGGCTAGCTAGGCT 5' 5' TTAGCCGATCGATCCGA 3' 3' AATCGGCTAGCTAGGCT 5' 5' TTAGCCGATCGATCCGA 3'
0.5	مقارنة ADN الخلية الأم مع ADN الخليتين البنيتين يظهر نفس التركيبة النيكليوتيدية و نفس الترتيب النيكليوتيدي ، و بالتالي فالصبغيات الناتجة عن مضاعفة ADN تحمل نفس الخبر الوراثي
0.5	في المرحلة الانفصالية من الانقسام الغير مباشر ينشطر الجزيء المركزي لكل صبغي و يتباعد الصبغين لتكوين نسختين متطابقتين من الخبر الوراثي في قطبي الخلية الأم
0.5	في المرحلة النهائية ينقسم السيتوبلازم و تظهر خليتين بنتين بخبر وراثي متشابه فيما بينهما و بين الخلية الأم
0.5	فالانقسام الغير مباشر إذن هو آلية للتكاثر المطابق

	التمرين 2 : 1- من التجربة الأولى: النواة هي موطن الخبر الوراثي النواة هي التي تحدد الصفة
0.5	
0.5	
0.5	من التجربة الثانية : الخبر الوراثي هو عبارة عن ADN تحدد الصفة عن طريق تركيب البروتين
0.5	2- a - ADN b - ARNm c - وحدة رمزية مضادة d - حمض أميني e - ARNt
3	f - وحدة رمزية g - ريبوزوم h - عديد الببتيد
	التمرين 3 :
	1- الشكل أ المرحلة الانفصالية لانفصال الصبغيات عن بعضها و تكون مجموعتين صبغيتين قطبيتين
0.5	
0.5	الشكل ب المرحلة الاستوائية لتكون الصفيحة الاستوائية
2	2- إنجاز رسم تخطيطي للمرحلة الاستوائية عند خلية حيوانية $2n = 4$ مع تسمية العناصر المميزة
	3- قطع ADN الممثلة غير منسوخة و بالتالي يجب مضاعفتها للحصول على ADN المنسوخ ثم استنساخه إلى ARNm ثم ترجمته :
1.5	ADN عادي غير منسوخ : AGT GAT AGG CTA ADN عادي منسوخ : TCA CTA TCC GAT ARNm عادي : AGU GAU AGG CUA عديد الببتيد العادي : serine—acide asparatique—arginine—leucine
1.5	ADN غيرعادي و غير منسوخ : AGT GAA GGC TA ADN غيرعادي منسوخ : TCA CTT CCG AT ARNm غيرعادي : AGU GAA GGC UA عديد الببتيد الغير عادي : serine—acide glutamique—glycine
1.5	سبب الاختلاف بين البروتين العادي و الغير عادي هو طفرة ضياع T من الثلاثية الثانية من النيكلوتيدات نتج عنها تغير ترتيب باقي النيكلوتيدات و بالتالي تغير متتالية الأحماض الأمينية
1.5	تنتج الخلايا السرطانية عن وجود P53 غير فعال بسبب طفرة الضياع ، فيبقى البروتين RAS دون مراقبة ينشط مضاعفة ADN و انقسام الخلية دون توقف .